



XXV Юбилейный Всероссийский научно-образовательный форум Мать и Дитя - 2024



Роль полиморфизма PGR в развитии миомы матки

Ирназарова Динара Хамидиловна

Ташкентская медицинская академия, Ташкент, Узбекистан

+998903504631, dinara.obg@gmail.com

Актуальность. Миома матки (ММ) - это доброкачественная опухоль, распространенность которой составляет более 50% у женщин в возрасте старше 45 лет. Современное представление об этиопатогенезе миомы определяет индивидуальный подход к ведению данных женщин¹. В развитии и росте миомы матки участвуют генетические и эпигенетические факторы². Одним из основных генетических факторов развития ММ является полиморфизм гена рецептора PGR.

Цель исследования. Определить роль полиморфного варианта генов рецепторов прогестерона (rs1042838 PR) в развитии симптомной миомы матки.

Материалы и методы исследования. Обследованы 102 женщины, наблюдавшихся с 2020 по 2022 года, в отделении Гинекологии Многопрофильной клиники Ташкентской медицинской академии. Проведены клинические и молекулярно-генетические исследования проводили с помощью термоциклеров CG1-96 («Corbett Research» QUAGEN Германия) методом аллель специфической ПЦР в режиме реального времени.

Результаты. Средний возраст женщин составил 41,6 лет (n=49) (p<0,001), в основной группе превалировал поздний репродуктивный (40,8%) и перименопаузальный возраст (43,4%). Шанс обнаружить дикий аллель G в основной группе выше по сравнению с группой контроля ($\chi^2=3,3$; P=0,07; RR=1,7; 95%CI 0,949- 3,151; OR=1,8; 95%CI 0,9473-3,577), тогда как генотипы G/T (OR=1,7; 95%CI 0,796-3,609) и T/T гена (OR=2,9; 95%CI 0,371-28,75) PGR имели промоутерный эффект по отношению к ММ.

Обсуждение. Преваляирование GG генотипа в группе контроля подтверждает протективную функцию данного генотипа в сравнение группой больных (OR=0,5). У женщин с симптомной ММ выявлено, что риск развития ММ повышется почти в 2 раза при носительстве мутантного T/T генотипа (OR=1,9; 95%CI 0,1143-30,43). Распределение генотипов полиморфизма rs1042838 гена PGR внутри основной группы показало, что в группе симптомной ММ T/T мутантный генотип выявлен в 2 и более раз чаще, чем в асимтомной (OR=2,2; 95%CI 0,194-25,2). Суммарная прогностическая значимость составила >0,5 (AUC=0,65).

Заключение. Таким образом, выявлена ассоциативная роль генетического полиморфизма генов: рецепторов G/T и T/T PGR (rs1042838) (OR=1,9) с развитием симптомной миомы матки. Изучение генетических детерминант при миоме является следующим шагом в персонализированную предиктивную медицину.

Литература:

¹Dolmans M-M., Petraglia F., Catherino W.H., Donnez J. Pathogenesis of uterine fibroids: current understanding and future directions. Fertil Steril. 2024 Jul;122(1):6-11. doi:10.1016/j.fertnstert.2024.02.048.

²Есенева Ф.М., Киселев В.И., Салимова Л.Я. Эпигенетика и эпигенетические aberrации при миоме матки. Вестник РУДН. Серия: Медицина, 2016, № 2, С.160-170.

